

Affichage de cours | Standard | Régulier Automne 2026

Chargé(e) de cours | Médecine | D0400U Département de biochimie et médecine moléculaire

Direction : Valérie De Rop 514/343-6375

Date début : 2026-05-17 Date limite dépôt candidature : 26-05-31

Dates affichages tardifs : 2026-06-21 2026-07-12

AUTORISÉ

Sigle	Titre	Déf. EQE	Exigences de qualification	Nbre heures ou jours	Nbre charges	Horaire prévu	Campus	Mode d'enseignement	Détails supplémentaires	Annulé en date du
BCM2550 A	Programmation appliquée à la génomique	EQE	<p>Doctorat en bio-informatique</p> <ul style="list-style-type: none"> -Connaissance approfondie du langage Python ainsi que des principaux modules et fonctions de sa librairie standard (os, re, sys, subprocess, etc.) -Connaissance des concepts de programmation orientée objet -Connaissance approfondie du module BioPython, spécifiquement les modules Seq, SeqIO, Entrez, AlignIO et SearchIO -Connaissance approfondie des modules Matplotlib, NumPy, SciPy et Pandas -Compétences en biologie moléculaire et en génétique permettant une interprétation robuste des données issues de technologies utilisées dans le domaine de la génétique et de la génomique -Connaissance des différents formats de fichiers utilisés en bio-informatique, en génétique et en génomique (FASTA, GENBANK, VCF, PEDFILE, transposed PEDFILE, etc.) -Connaissance approfondie des différentes bases de données bio-informatiques NCBI, Ensembl et UCSC <p>Équivalence</p> <ul style="list-style-type: none"> -Candidat ayant participé à la conception d'outils Python développés dans le cadre de projets bio-informatiques en génomique ou en génétique -Candidat ayant réalisé des requêtes automatisées dans les bases de données bio-informatiques et génomiques afin d'en extraire de l'information pertinente à propos d'un gène (ou d'une protéine), ainsi que ses variations et sa localisation dans le génome -Candidat ayant déjà analysé et visualisé des données génomiques (génompage, séquençage, etc.) dans le cadre d'un projet scientifique 	42 heures	1		Campus Montréal	En personne		
BCM3553 A	Bioinformatique pour biochimistes	EQE	<p>Ph.D. en biochimie, biologie moléculaire ou bio-informatique</p> <ul style="list-style-type: none"> -Un minimum de 10 ans d'expérience dans l'application et l'intégration d'outils bio-informatiques, isolément ou en pipeline programmatique utilisés dans le cadre du cours -Un minimum de 10 ans d'expérience dans l'exploitation de bases de données biologiques externes, isolément ou en pipeline programmatique -Un minimum de 10 ans d'expérience pratique dans le domaine du séquençage à bas et haut débit, incluant l'exploitation des données par pipeline programmatique -Un minimum de 75 heures d'enseignement de la bio-informatique au niveau universitaire 	18 heures	1		Campus Montréal	En personne		