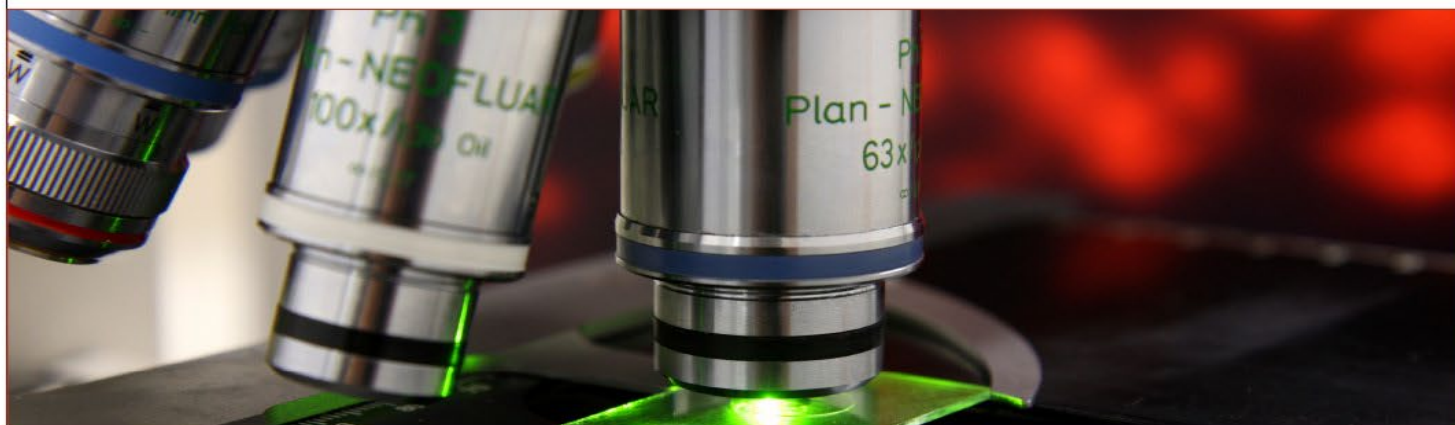


SÉMINAIRES ET CONFÉRENCES



KARINE CHOQUET

**Département de biochimie et de génomique fonction
Université de Sherbrooke**

“L’ordre d’épissage des pré-ARNm multi-introniques révélé à l’aide du séquençage par nanopores.”

L’épissage des pré-ARN messagers (ARNm) nécessite l’excision de nombreux introns le long du même transcrit. De manière combinatoire, l’ordre d’excision des introns peut emprunter des milliers de voies différentes, chacune d’entre elles exposant un ensemble distinct d’éléments cis-régulateurs qui contribuent à l’épissage alternatif. L’ordre d’épissage des pré-ARNm humains n’a pas encore été élucidé en détail en raison de défis techniques liés à l’analyse quantitative de longues molécules d’ARN. Lors de cette présentation, je décrirai nos récentes analyses de l’ordre d’épissage post-transcriptionnel dans des cellules humaines à l’aide du séquençage direct d’ARN par nanopores. Nous avons observé que l’ordre d’épissage des pré-ARNm multi-introniques n’est pas stochastique, mais plutôt prédéterminé, c’est-à-dire que la majorité des gènes empruntent seulement quelques ordres d’épissage principaux qui sont conservés parmi différents types cellulaires. Je présenterai nos résultats suggérant que l’utilisation du bon ordre d’épissage est essentiel au maintien de l’exactitude de l’épissage et que des éléments de séquence proximaux et distaux contribuent à la détermination de l’ordre d’épissage. Je conclurai en décrivant brièvement nos projets en cours visant à mieux comprendre la régulation et la fonction de l’ordre d’épissage ainsi que ses applications en santé humaine.



Lundi 8 avril 2024, 11h30

Pavillon Joseph-Armand-Bombardier, Salle : 1035

Faculté de médecine
Département de biochimie
et médecine moléculaire

Université 
de Montréal

ET

[Lien Zoom](#)

invité de Malik Chaker-Margot
malik.chaker-margot@umontreal.ca